



Wir sind ein junges und stark-wachsendes Diagnostik- und Forschungs-Unternehmen und suchen zum nächstmöglichen Zeitpunkt eine/n erfahrene/n

Center for Genomics
and Transcriptomics

CeGaT GmbH
Paul-Ehrlich-Str.17
72076 Tübingen
Germany

www.cegat.de

Bioinformatiker(in)

Januar 2011

Voraussetzungen:

Sie haben Ihr Studium der Bioinformatik oder Informatik erfolgreich abgeschlossen und gegebenenfalls durch eine Promotion abgerundet. Sie verfügen über weitreichende Erfahrungen im Bereich der Auswertung von Next-Generation-Sequencing Daten (Referenz-Alignments, SNV, CNV, Transkriptom-Analyse). Vorzugsweise kennen Sie sich zudem in den Bereich Datenbanken-Design und Datenbank-Applikation aus und verfügen über Kenntnisse in mehreren Skriptsprachen (PERL, BASH, ...) und JAVA. Sie sind selbständiges Arbeiten gewohnt. Zuverlässigkeit, Genauigkeit und Flexibilität runden Ihr Profil ab.

Die CeGaT GmbH wendet modernste Hochdurchsatz-Sequenzierung in Forschungsprojekten an; wir sequenzieren schwerpunktmäßig Genome, Exome und Transkriptome. Zudem sind wir eins der wenigen Unternehmen weltweit, das neben der Sanger-Sequenzierung auch die Next-Generation-Sequenzierung (SOLiD 4 Technologie) in der humangenetischen Diagnostik anwendet; dabei sequenzieren wir alle für eine Krankheit relevanten Gene gleichzeitig im Hochdurchsatz und validieren die Ergebnisse mittels Sanger-Sequenzierung.

Wir arbeiten eng mit der Universität Tübingen (insb. Lehrstuhl für Algorithms in Bioinformatics, Prof. Huson) zusammen.

Weitere Information zu unserer Firma und unserem Team finden Sie unter www.cegat.de.

Konnten wir Ihr Interesse wecken?

Dann senden Sie bitte Ihre vollständigen Bewerbungsunterlagen mit Angabe des frühestmöglichen Eintrittszeitpunktes an Frau Dr. Dr. Saskia Biskup – vorzugsweise per Email: saskia.biskup@cegat.de.

Wir freuen uns auf Ihre Bewerbung.